

# LABOKLIN

LABOR FÜR KLINISCHE DIAGNOSTIK GMBH & CO. KG

Laboklin GmbH & Co. KG, Steubenstraße 4, 97688 Bad Kissingen

Frau  
Nicole Herzog  
Karl-Gareis-Straße 10a  
94234 Viechtach  
Deutschland

Untersuchungsbefund Nr.: **2506-W-750382**  
Probeneingang: 05.06.2025  
Datum Befund: 16.06.2025  
Untersuchungsbeginn: 05.06.2025  
Untersuchungsende: 16.06.2025  
Befundstatus: Endbefund

Tierart:  
Rasse:  
Geschlecht:  
Name:  
Zuchtbuchnummer:  
Chipnummer:  
Geburtsdatum / Alter:  
Probenmaterial:  
Patientenbesitzer:  
EDV-Nummer / Befund-ID:

Katze  
Britisch Langhaar  
männlich  
Havanjo's Benedict  
Limbra L25. BLH.011.3  
528150007148234  
15.02.2025  
eNat  
Herzog, Nicole  
---

**Zuchtverbandsrabatte wurden für rabattfähige Leistungen berücksichtigt!**



Bei genetischen Tests untersuchen wir die Varianten, die mit Erbkrankheiten oder genetischen Merkmalen assoziiert sind. Die Ergebnisse der genetischen Untersuchungen zeigen für die untersuchten Varianten immer beide Allele des Tieres. Dabei ist "N" die Angabe für das Wildtyp-Allel, die auffälligen Allele tragen die Bezeichnung der damit assoziierten Erkrankung (hier exemplarisch "mut").

#### Mögliche Ergebnisse:

- N/N: Die für die Krankheit untersuchte Variante liegt nicht vor.
- N/mut: Das untersuchte Tier trägt eine Kopie der untersuchten Variante.
- mut/mut: Das untersuchte Tier trägt zwei Kopien der untersuchten Variante.

Mit diesen genetischen Informationen allein, kann jedoch noch keine Aussage getroffen werden, ob, wann oder in welchem Ausmaß eine Krankheit auftritt. Bei manchen Krankheiten hängt die Schwere der Erkrankung noch von weiteren, teils nicht genetisch bestimmten Faktoren ab. Auch variable Penetranzen - unterschiedlich schwere Ausprägungen, spielen häufig eine Rolle. In der Regel tritt die Krankheit bei rezessiven Erbkrankheiten erst bei zwei Kopien der untersuchten Variante auf. Bei dominanten Erbkrankheiten wirkt sich bereits eine Kopie der Variante auf das Auftreten der Krankheit aus. Die Anmerkungsziffern **r** (autosomal rezessiv), **d** (autosomal dominant) und **Xr** (X-chromosomal rezessiv) kennzeichnen den jeweiligen Erbgang.

Nicht jedes auffällige Ergebnis ist zwingend mit gesundheitlichen Konsequenzen für das Tier oder seine Nachkommen verbunden. Gerade bei heterozygotem (mischerbigem) Vorliegen monogen-autosomal-rezessiver Erkrankungen haben die aufgezeigten Ergebnisse keine gesundheitliche Bedeutung für das Tier und bei Verpaarung mit einem freien Tier auch nicht für die Nachkommen.

Für rasseunspezifische Ergebnisse gilt:

Bislang wurde wissenschaftlich keine Korrelation zwischen der getesteten Variante und der zugehörigen klinischen Symptomatik in der Rasse dieses Tieres nachgewiesen.

Genauere Informationen zu den einzelnen Erbkrankheiten finden Sie auf unserer Website.

#### Genetische Bestimmung der Blutgruppe - PCR

Ergebnis: Genotyp b/b

Interpretation: Das untersuchte Tier ist reinerbig (homozygot) für das b-Allel, welches mit der serologischen Blutgruppe B korreliert ist.

Erfasst werden drei genetische Varianten (268T>A, 179G>T, 1322delT) für die Allele b und eine Variante (364C>T) für c.

Allelische Reihe nach Dominanz: N>c>b

#### RASSESPZIFISCHE VARIANTEN

| Unbedenkliche Ergebnisse                            | Genotyp | Gen    | Variante |
|---|---------|--------|----------|
| Congenitale Hypothyreose (CH) <sup>r</sup>          | N/N     | TPO    | C-T      |
| Cystinurie <sup>r</sup>                             | N/N     | SLC7A9 | T-A      |
| FXII-Defizienz (1321delC) <sup>r,s</sup>            | N/N     | F12    | DEL      |
| FXII-Defizienz (1631G>C) <sup>r,s</sup>             | N/N     | F12    | DEL      |
| MDR1-Genvariante (MDR) <sup>r</sup>                 | N/N     | ABCB1  | DEL      |
| Mucopolysaccharidose Typ VII (MPS VII) <sup>r</sup> | N/N     | GUSB   | G-A      |

**RASSESPEZIFISCHE VARIANTEN****Unbedenkliche Ergebnisse**

|   | Genotyp | Gen   | Variante |
|---|---------|-------|----------|
| Myotonia congenita <sup>r</sup>                   | N/N     | CLCN1 | G-T      |
| Polydaktylie - Hw-Variante <sup>d</sup>           | N/N     | LMBR1 | T-C      |
| Polydaktylie - UK1-Variante <sup>d</sup>          | N/N     | LMBR1 | C-G      |
| Polydaktylie - UK2-Variante <sup>d</sup>          | N/N     | LMBR1 | T-A      |
| Polyzystische Nierenerkrankung (PKD) <sup>d</sup> | N/N     | PKD1  | C-A      |
| Progressive Retinaatrophie (pd-PRA) <sup>r</sup>  | N/N     | AIPL1 | C-T      |

**RASSEUNSPEZIFISCHE VARIANTEN (KORRELATION IN IHRER RASSE ZUR ZEIT NICHT BEKANNT)****Unbedenkliche Ergebnisse**

|  | Genotyp | Gen     | Variante |
|--|---------|---------|----------|
| Acrodermatitis enteropathica (AE) <sup>r</sup>               | N/N     | SLC39A4 | C-G      |
| Alpha-Mannosidose (AMD) <sup>r</sup>                         | N/N     | MAN2B1  | DEL      |
| Autoimmunes lymphoproliferatives Syndrom (ALPS) <sup>r</sup> | N/N     | FASLG   | INS      |
| Faktor XI Defizienz <sup>r,5</sup>                           | N/N     | F11     | G-A      |
| Gangliosidose (GM1) <sup>r</sup>                             | N/N     | GLB1    | C-G      |
| Gangliosidose (GM2) <sup>r</sup>                             | N/N     | HEXB    | DEL      |
| Glycogenspeicherkrankheit (GSDIV) <sup>r</sup>               | N/N     | GBE1    | COMPLEX  |
| GM2-Gangliosidose <sup>r</sup>                               | N/N     | HEXB    | DEL      |
| Head Defect  | N/N     | ALX1    | DEL      |
| Hypertrophe Kardiomyopathie (HCM1) Maine Coon <sup>d</sup>   | N/N     | MYBPC3  | C-G      |
| Hypertrophe Kardiomyopathie (HCM3) Ragdoll <sup>d</sup>      | N/N     | MYBPC3  | G-A      |
| Hypertrophe Kardiomyopathie (HCM4) Sphynx <sup>d</sup>       | N/N     | ALMS1   | G-C      |
| Hypokaliämie <sup>r</sup>                                    | N/N     | WNK4    | C-T      |
| Hypotrichose/Kurzlebigkeit <sup>r</sup>                      | N/N     | FOXN1   | DEL      |
| Kongenitales myasthenes Syndrom (CMS) <sup>r</sup>           | N/N     | COLQ    | C-T      |
| Mucopolysaccharidose Typ VI (MPS VI) <sup>r</sup>            | N/N     | ARSB    | A-G, C-T |
| Osteochondrodysplasie <sup>d</sup>                           | N/N     | TRPV4   | C-A      |
| Primäres Erbliches Glaukom (PCG) <sup>r</sup>                | N/N     | LTBP2   | INS      |
| Progressive Retinaatrophie (PRA-b) <sup>r</sup>              | N/N     | KIF3B   | C-T      |
| Progressive Retinaatrophie (rdAc-PRA) <sup>r</sup>           | N/N     | CEP290  | A-C      |
| Pyruvatkinase-Defizienz <sup>r</sup>                         | N/N     | PKLR    | G-A      |
| Spinale Muskelatrophie (SMA) <sup>r</sup>                    | N/N     | LIX1    | COMPLEX  |

**FELLFARBEN & FELLMERKMALE****Genetischer Test**

|   | Genotyp | Allelische Reihe |
|---|---------|------------------|
| Farbvariante "Snow" Bengal <sup>r</sup>           | C/C     | C>cb>cs          |
| Farbvariante Colourpoint <sup>r</sup>             | C/C     | C>cb>cs          |
| Farbvariante Gold (extreme Sunshine) <sup>r</sup> | N/N     | N>wbeSIB>wbSib   |
| Farbvariante Gold (Kupfer) <sup>r</sup>           | N/N     | N>wbBSH          |
| Farbvariante Gold (Sunshine) <sup>r</sup>         | N/N     | N>wbSib          |
| Farbverdünnung Dilution <sup>r</sup>              | d/d     | D>d              |
| Fellfarbe Amber <sup>r</sup>                      | E/E     | E>e              |
| Fellfarbe Braun <sup>r</sup>                      | bl/bl   | B>b>bl           |
| Fellfarbe Charcoal <sup>r</sup>                   | a/a     | A>a              |
| Fellfarbe Copal <sup>r</sup>                      | E/E     | E>ec             |
| Fellfarbe Russet <sup>r</sup>                     | E/E     | E>er             |
| Felltyp Curly <sup>d</sup>                        | N/N     | Cu>N             |
| Fellzeichnung Agouti <sup>r</sup>                 | a/a     | A>a              |
| Haarlänge <sup>r</sup>                            | M4/M4   |                  |
| Hairless/Curly Coat (SPH/DRX) <sup>r</sup>        | N/N     | N>hr>re          |

## FELLFARBEN & FELLMERKMALE

### Genetischer Test

Tabby (S59X)

Tabby (W841X)

TiA (C63Y)<sup>a</sup>TiCK (A18V)<sup>a</sup>

### Genotyp

TaM/TaM

TaM/TaM

N/N

N/N

### Allelische Reihe

TaM&gt;Tab

TaM&gt;Tab

TiA=TiCK&gt;N

TiA=TiCK&gt;N

Die Ergebnisse gelten nur für das im Labor eingegangene Probenmaterial. Die Verantwortung für die Richtigkeit der Angaben zu den eingesandten Proben liegt beim Einsender. Gewährleistungsverpflichtungen dafür können nicht übernommen werden. Schadensersatzverpflichtungen sind, soweit gesetzlich zulässig, auf den Rechnungswert der durchgeführten Untersuchung/en beschränkt, im Übrigen haften wir nur für Vorsatz und grobe Fahrlässigkeit, soweit gesetzlich möglich.

Weitere Genveränderungen, die ebenfalls die Ausprägung der Erkrankung/Merkmale beeinflussen können, können nicht ausgeschlossen werden. Die Untersuchung/en erfolgte/n nach dem derzeitigen allgemeinen wissenschaftlichen Kenntnisstand.

Das Labor ist für die auf diesem Befund aufgeführten Untersuchungen akkreditiert nach DIN EN ISO/IEC 17025:2018 (ausgenommen Partnerlabor-Leistungen).

In seltenen Fällen sind einzelne Tests nicht auswertbar, meist wegen unzureichender DNA-Qualität oder -Menge. Wir garantieren Ergebnisse für mindestens 95% aller Tests.

### Erläuterungen zur Fellfarbgenetik

Eine Hilfe zur Interpretation der genetischen Varianten finden Sie hier:

[https://shop.labogen.com/fellfarbgenetik\\_katze](https://shop.labogen.com/fellfarbgenetik_katze)



### Anmerkungsziffern

Detaillierte Informationen zu den Anmerkungsziffern finden Sie hier:

<https://shop.labogen.com/anmerkungen-info>



Befund-Nr.: 2506-W-750382

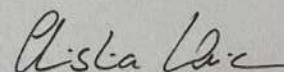
# LABOKLIN

LABOR FÜR KLINISCHE DIAGNOSTIK GMBH & CO. KG

Das Methoden-Abkürzungsverzeichnis finden Sie unter [www.laboklin.com](http://www.laboklin.com) in der Rubrik "Leistungen".

Die Untersuchungsergebnisse beziehen sich auf das uns eingesandte Probenmaterial. Dieses war untersuchungsfähig, sofern nichts anderes angegeben ist. Die Richtigkeit der Angaben zu den Proben verantwortet der Einsender. Dieser Prüfbericht darf nur vollständig und unverändert weitergegeben werden. Abweichende Vorgehensweisen bedürfen der schriftlichen Genehmigung der Laboklin GmbH & Co. KG. Hinweis: Wer die in diesem Dokument aufgeführten Daten absichtlich so speichert oder verändert, dass bei ihrer Wahrnehmung eine unechte/verfälschte Urkunde vorliegen würde, oder derart gespeicherte oder veränderte Daten gebraucht, macht sich strafbar und muss mit juristischen Konsequenzen rechnen.

LABOKLIN ist ein nach DIN EN ISO/IEC 17025:2018 akkreditiertes Labor, mit Nummern D-PL-13186-01-01, D-PL-13186-01-02 und D-PL-13186-01-03. Diese Akkreditierung bezieht sich auf alle in der Akkreditierungsurkunde aufgeführten Prüfverfahren.



Fr. Dr. Weimann  
Dipl.-Ing. Molekularbiologie

\*\*\* ENDE des Befundes \*\*\*



Laboklin App